

SOFTWARE PARA LA REALIZACIÓN DE ESTUDIOS DE SALUD

Miguel Ángel Rodríguez Muíños
Servizo de Epidemioloxía.
Dirección Xeral de Saúde Pública
Consellería de Sanidade













B!02f9fEFO22

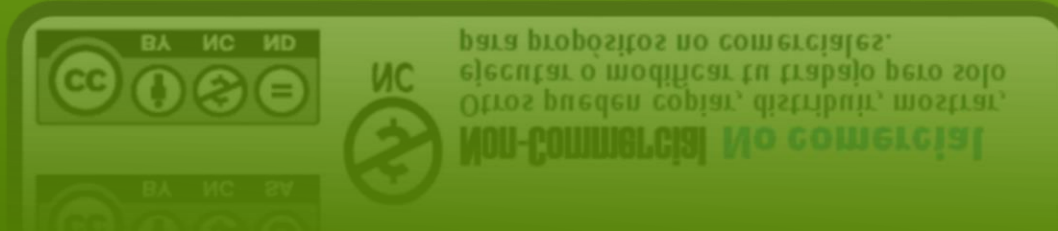


XUNTA DE GALICIA
CONSELLERÍA DE SANIDADE



LICENCIAS CREATIVE COMMONS

| LICENCIAS | TÉRMINOS Y CONDICIONES |
|------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
|  |  Attribution <i>Atribución</i> Otros pueden copiar, distribuir, mostrar, ejecutar y mezclar tu trabajo si ellos mencionan tu nombre si lo solicitas. |
|  |  No Derivative Works <i>No modificar</i> Otros pueden copiar, distribuir, mostrar o ejecutar copias exactas tu trabajo, pero no modificarlas. |
|  |  Share Alike <i>Misma licencia</i> Otros pueden distribuir tu trabajo solamente bajo una licencia idéntica a la que escojas para tu trabajo. |
|  |  Non-Commercial <i>No comercial</i> Otros pueden copiar, distribuir, mostrar, ejecutar o modificar tu trabajo pero solo para propósitos no comerciales. |
|  |  |



EL “PROBLEMA” DE LAS
LICENCIAS DE SOFTWARE...



SOFTWARE LIBRE

Es el software que garantiza la libertad de...

- 0 **usar** el programa con cualquier propósito
 - 1 **estudiar** cómo funciona, modificarlo y adaptarlo a tus necesidades
 - 2 **distribuir** copias del programa
 - 3 **mejorar** el programa y publicar las mejoras
- se debe poder acceder al código fuente
-



EL COMIENZO



CIXUG ▾ Gobierno ▾ Ligazóns ▾ Convocatorias ▾ P. Contratante ▾ Formación ▾

COMEZO / Novidades / Entrada

17
set
2013

Entrevista ao equipo responsable do proxecto BioStatFLOSS

notas de prensa, Software Libre

Hoxe traemos á nosa páxina unha entrevista que fixemos este verán ao equipo responsable da ferramenta BioStatFLOSS.

Estamos a falar de **Miguel Ángel Rodríguez Muíños**, **M^a Teresa Seoane Pillado** e **Xurxo Hervada Vidal**, que veñen de liberar esta ferramenta de traballo para os profesionais do sector da saúde, e que pode obterse dende o **servidor de réplicas da OSL**.



EL PROYECTO

mapa web Accesibilidade Contacte Transparencia e Goberno Aberto Galego Castellan

SERVIZO GALEGO de SAÚDE

FONDO EUROPEO DE DESENVOLVEMENTO REGIONAL "Unha maneira de facer Europa" UNIÓN EUROPEA

XUNTA DE GALICIA CONSELLERÍA DE SANIDADE

CONSELLERÍA E SERGAS TEMAS COLECTIVOS INTERÉSAME E-SERVIZOS

Fai a túa busca...

BIOSTATFLOSS

Recompilación de software portable para Windows, de libre distribución, especialmente indicado para a realización de estudos bioestadísticos, epidemiolóxicos e de saúde en xeral



Vovidades:
Nova versión 4.0 xa dispoñible para a súa descarga.

Que é BioStatFLOSS

BioStatFLOSS consiste nun ámbito unificado e homoxéneo de execución, baixo o sistema operativo Microsoft Windows, dunha recompilación de programas, xa existentes e sobradamente contrastados, especificamente deseñados para a realización de estudos epidemiolóxicos, bioestadísticos e de saúde en xeral. O proxecto consiste nunha revisión e preparación do software relevante seleccionado e o desenvolvemento dun ámbito de execución común dende o que poder lanzar devanditos programas. O

DESCARGA

- Oficina de Software Libre do CIXUG (ftp)
- Oficina de Software Libre do CIXUG (http)
- DropBox
- MEGA

REFERENCIAS

- Entrevista ao equipo responsable do proxecto BioStatFLOSS
- CIXUG - Oficina de Software Libre
- Datanalytics
- GuíaSalud
- Universidade da Coruña

PREGUNTAS FRECUENTES

- F.A.Q.

<https://www.sergas.es/Saude-publica/BioStatFLOSS>

EN QUÉ CONSISTE BIOSTATFLOSS ?

BioStatFLOSS Portable



BioStatFLOSS es un entorno homogéneo de ejecución, bajo Windows, de una recopilación de programas, ya preparados para su uso, de utilidad para la realización de estudios (bioestadísticos, epidemiológicos y de salud en general), investigación biomédica y/o formación bioestadística.

4.0

Ofimática

Firefox LibreOffice Thunderbird SumatraPDF

R

R R Commander R Studio NotePad++

GIS

QGIS

Bioestadística

JASP PSPP SofaStats Octave SciLab gretl

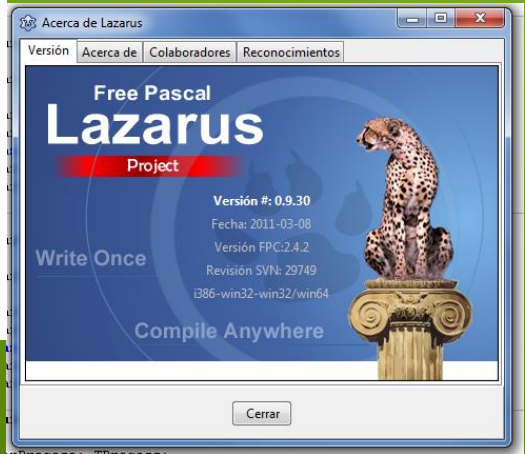
Epidemiología

EPIDAT EPI INFO Open EPI WinBUGS

Salir

- Nombre
- BioStatFLOSS
 - Epidat
 - EpiInfo
 - Firefox
 - gretl
 - JASP
 - LibreOffice
 - Notepad++
 - Octave
 - OpenEpi
 - PSPP
 - QGIS
 - R
 - SciLab
 - SofaStats
 - SumatraPDF
 - Thunderbird
 - WinBUGS
 - BioStatFLOSS.exe

- Nombre
- backup
 - lib
 - BioStatFLOSS.ico
 - BioStatFLOSS.lpi
 - BioStatFLOSS.lpr
 - BioStatFLOSS.res
 - link.res
 - ppas.bat
 - unit1.lfm
 - unit1.pas



BioStatFLOSS Portable



BioStatFLOSS es un entorno homogéneo de ejecución, bajo Windows, de una recopilación de programas, ya preparados para su uso, de utilidad para la realización de estudios (bioestadísticos, epidemiológicos y de salud en general), investigación biomédica y/o formación bioestadística.

4.0

Ofimática

- Firefox
- LibreOffice
- Thunderbird
- SumatraPDF

R

- R
- R Commander
- R Studio
- NotePad++

GIS

- QGIS

Bioestadística

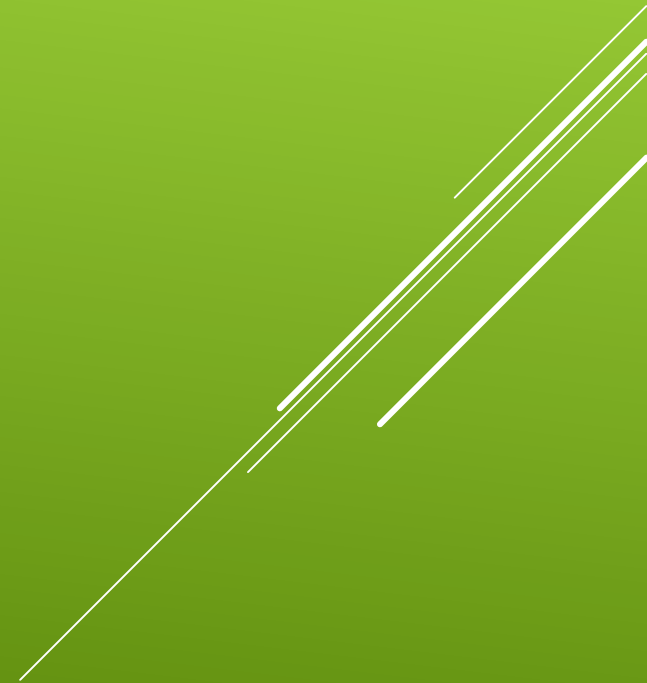
- JASP
- PSPP
- SofaStats
- Octave
- SciLab
- gretl

Epidemiología

- EPIDAT
- EPI INFO
- Open EPI
- WinBUGS

Salir

OFIMÁTICA...





moz://a

El nuevo Firefox

Rápido para siempre.

Descargar ahora

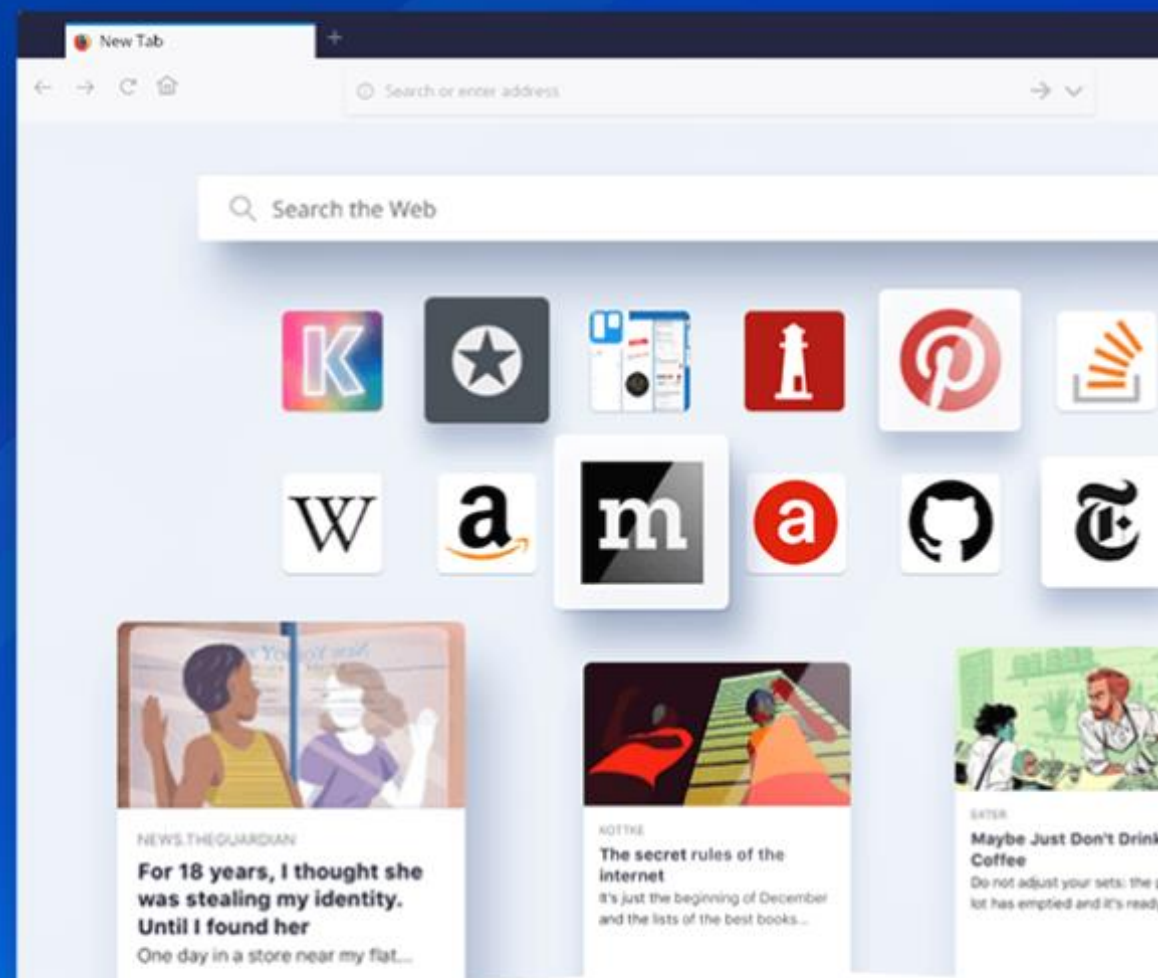
Privacidad de Firefox

Opciones avanzadas de instalación y otras plataformas

Descargar en otro idioma

Solucionar un problema

¿Necesitas ayuda?





< **PAQUETE DE OFICINA LIBRE** >

LIBREOFFICE 6:

«LA MEJOR SUITE DE OFICINA SE PONE AÚN MEJOR» – ZDNET

DESCARGAR AHORA

Sumatra PDF is a PDF, ePub, MOBI, CHM, XPS, DjVu, CBZ, CBR reader for Windows

[Home](#) [Download](#) [Manual](#) [Documentation](#) [Version History](#) [Discussion Forum](#)

What is Sumatra PDF?

Sumatra PDF is a free PDF, eBook ([ePub](#), [Mobi](#)), XPS, DjVu, [CHM](#), [Comic Book](#) (CBZ and CBR) reader for Windows.

Sumatra PDF is powerful, small, portable and starts up very fast.

Simplicity of the user interface has a high priority.

Download

Download [from here](#).

More information

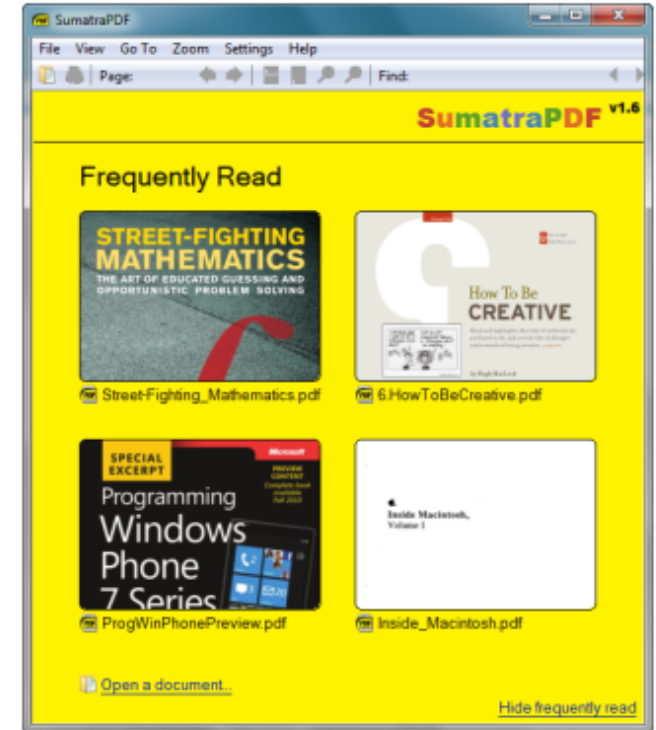
Found a bug? Submit a [bug report](#).

Have a question or feedback about Sumatra? Use [the forum](#).

Want to help translate Sumatra? See [this translation guide](#).

We also have a [quickstart manual](#) and [extensive documentation](#) with more information.

Are you a developer? The source code is on [GitHub](#).



[Krzysztof Kowalczyk](#)

R...



R Console (64-bit)

Archivo Editar Misc Paquetes Ventanas Ayuda

```
R version 3.5.2 (2018-12-20) -- "Eggshell Igloo"  
Copyright (C) 2018 The R Foundation for Statistical Computing  
Platform: x86_64-w64-mingw32/x64 (64-bit)
```

```
R es un software libre y viene sin GARANTIA ALGUNA.  
Usted puede redistribuirlo bajo ciertas circunstancias.  
Escriba 'license()' o 'licence()' para detalles de distribucion.
```

```
R es un proyecto colaborativo con muchos contribuyentes.  
Escriba 'contributors()' para obtener más información y  
'citation()' para saber cómo citar R o paquetes de R en publicaciones.
```

```
Escriba 'demo()' para demostraciones, 'help()' para el sistema on-line de ayuda,  
o 'help.start()' para abrir el sistema de ayuda HTML con su navegador.  
Escriba 'q()' para salir de R.
```

```
[Previously saved workspace restored]
```

```
> |
```

```
data(Chile, package="carData")  
with(Chile, Hist(population, scale="frequency", breaks="Sturges", col="darkgray"))  
Boxplot( ~ age, data=Chile, id=list(method="y"))  
Boxplot(age~sex, data=Chile, id=list(method="y"))
```

Editor de datos

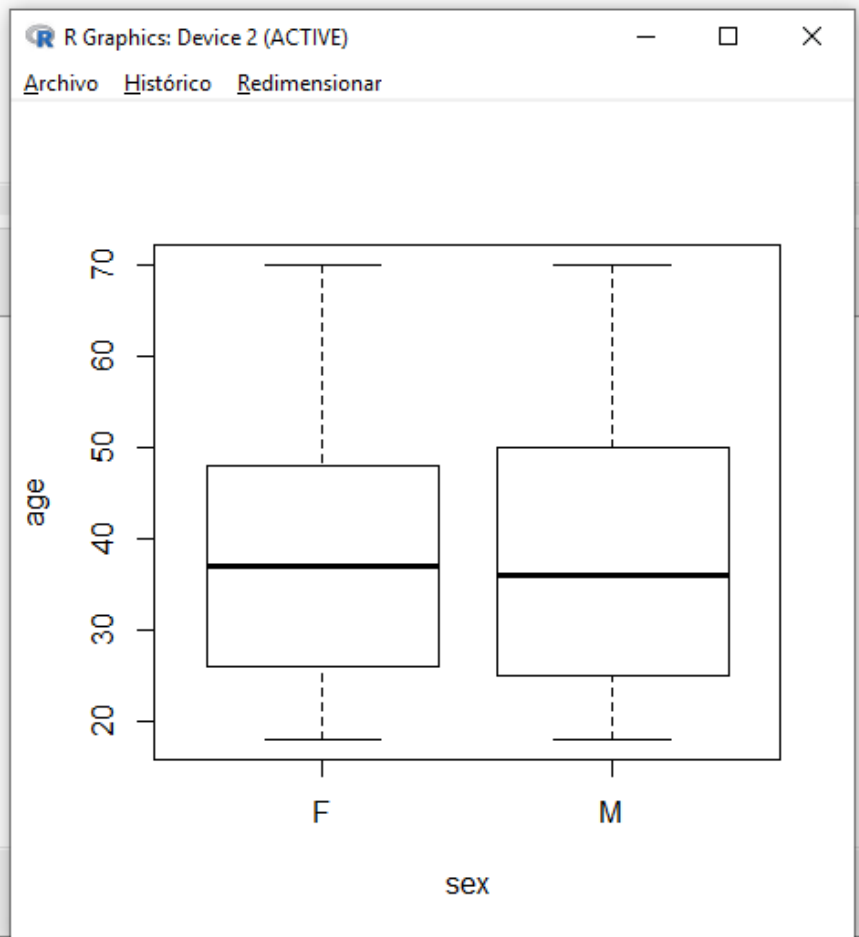
| | region | population | sex | age | education | income |
|----|--------|------------|-----|-----|-----------|--------|
| 1 | N | 175000 | M | 65 | P | 35000 |
| 2 | N | 175000 | M | 29 | PS | 7500 |
| 3 | N | 175000 | F | 38 | P | 15000 |
| 4 | N | 175000 | F | 49 | P | 35000 |
| 5 | N | 175000 | F | 23 | S | 35000 |
| 6 | N | 175000 | F | 28 | P | 7500 |
| 7 | N | 175000 | M | 26 | PS | 35000 |
| 8 | N | 175000 | F | 24 | S | 15000 |
| 9 | N | 175000 | F | 41 | P | 15000 |
| 10 | N | 175000 | M | 41 | P | 15000 |
| 11 | N | 175000 | M | 64 | P | 15000 |
| 12 | N | 175000 | M | 19 | S | 35000 |
| 13 | N | 175000 | F | 27 | PS | NA |
| 14 | N | 175000 | F | 46 | S | 75000 |
| 15 | N | 175000 | M | 36 | PS | 35000 |
| 16 | N | 175000 | M | 22 | S | 15000 |

Salida

```
> data(Chile,  
> with(Chile,  
> Boxplot( ~  
> Boxplot(age
```

Mensajes

```
[1] NOTA: Versión de R Commander 2.5-1: Tue Jun 11 15:09:10 2019  
[2] NOTA: El conjunto de datos Chile tiene 2700 filas y 8 columnas.
```



Ejecutar

RStudio - Starbucks

colorado.rstudio.com/rstudio/s/69dd88d7be3d61c7f4084/

File Edit Code View Plots Session Build Debug Profile Tools Help

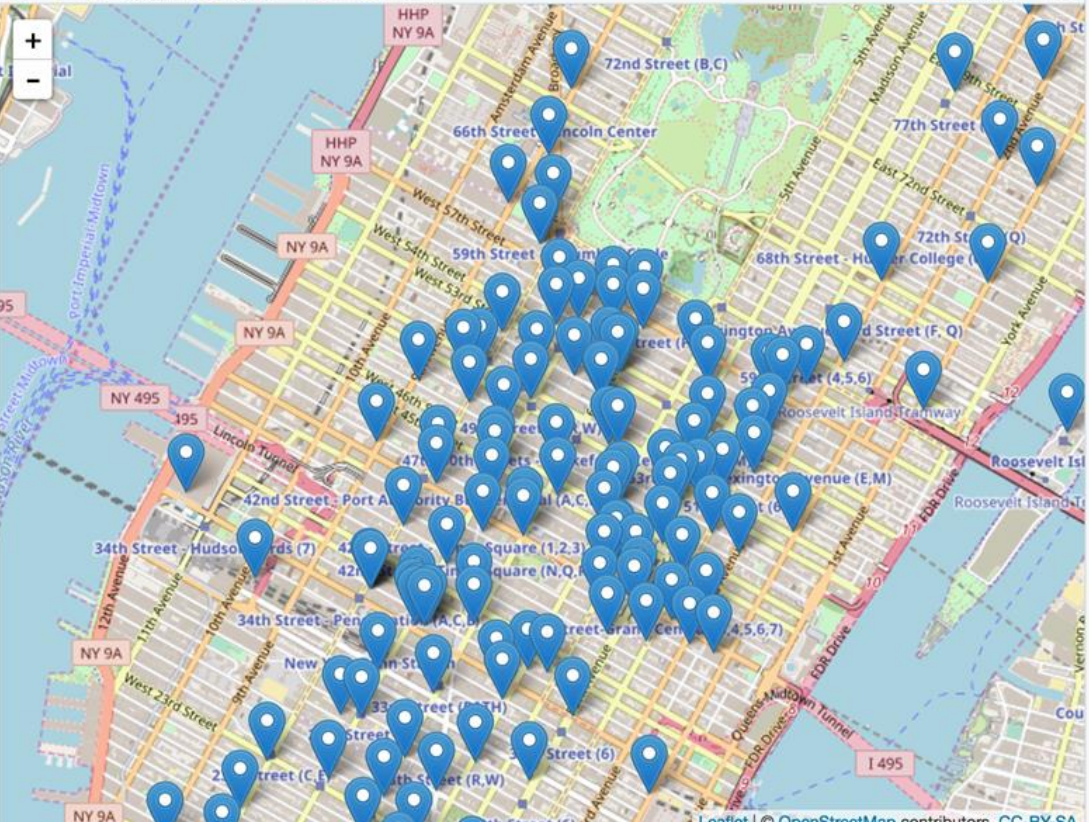
bill Sessions Starbucks R 3.2.5

```
1 library(tidyverse)
2 library(leaflet)
3
4 file <- "https://opendata.socrata.com/api/views/ddym-zvjk/rows.csv"
5 starbucks <- read.csv(file)
6
7 nyc <- starbucks %>%
8   filter(City == "New York") %>%
9   select(Brand, Name, Latitude, Longitude)
10
11 leaflet() %>% addTiles() %>% setView(-73.983, 40.760, zoom = 12) %>%
12   addMarkers(data = nyc, lat = ~ Latitude, lng = ~ Longitude, icon = ,
13   popup = nyc$Name)
14
15 head(nyc)
```

Environment History Connections Git

| Connection | Status |
|-----------------------------|-----------|
| IMPALA - Impala | Connected |
| HIVE - Hive | Connected |
| airontime - EC2AMAZ-EIJ1Q05 | Connected |

Files Plots Packages Help Viewer



Console Terminal

```
> leaflet() %>% addTiles() %>% setView(-73.983, 40.760, zoom = 12) %>%
+   addMarkers(data = nyc, lat = ~ Latitude, lng = ~ Longitude, icon = , popu
p = nyc$Name)
>
> head(nyc)
```

| Brand | Name | Latitude | Longitude |
|-------------|-----------------------------------|----------|-----------|
| 1 Starbucks | Washington Hgts/181st St | 40.85100 | -73.93842 |
| 2 Starbucks | 168th & Broadway | 40.84135 | -73.93982 |
| 3 Starbucks | 145th & Bradhurst | 40.82338 | -73.94261 |
| 4 Starbucks | Target East River Plaza T-2380 | 40.79569 | -73.93255 |
| 5 Starbucks | 125th Street and Lenox | 40.80781 | -73.94511 |
| 6 Starbucks | 125th St. btwn Adam Clayton & FDB | 40.80895 | -73.94823 |

[home](#)[download](#)[news](#)[features](#)[resources](#)[contribute](#)[donate](#)[community](#)[contributors](#)[links](#)[download](#)Current Version: **7.6.6**

News

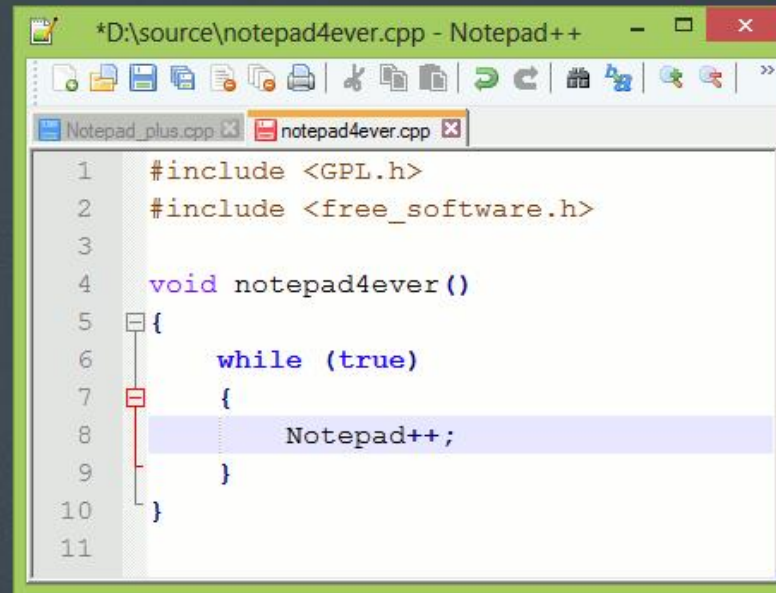
- [v7.6.6 with GPG signatures](#)
Apr 04 2019
- [Rolling back to v7.6.4](#)
Apr 03 2019
- [Notepad++ 7.6.4 released](#)
Mar 06 2019
- [Notepad++ 7.6.3 released](#)
Jan 27 2019
- [7.6.2 Yellow Vest Edition](#)
Jan 01 2019
- [Notepad++ 7.6.1 released](#)
Dec 13 2018
- [Notepad++ 7.6](#)
Nov 13 2018
- [Notepad++ 7.5.9 released](#)
Oct 15 2018
- [Notepad++ 7.5.8 released](#)
Jul 24 2018
- [Notepad++ 7.5.7 released](#)
Jun 30 2018

[more news »](#)

About

Notepad++ is a free (as in "free speech" and also as in "free beer") source code editor and Notepad replacement that supports several languages. Running in the MS Windows environment, its use is governed by [GPL License](#).

Based on the powerful editing component [Scintilla](#), [Notepad++](#) is written in C++ and uses pure Win32 API and STL which ensures a higher execution speed and smaller program size. By optimizing as many routines as possible without losing user friendliness, [Notepad++](#) is trying to reduce the world carbon dioxide emissions. When using less CPU power, the PC can throttle down and reduce power consumption, resulting in a greener environment.



```
*D:\source\notepad4ever.cpp - Notepad++
#include <GPL.h>
#include <free_software.h>

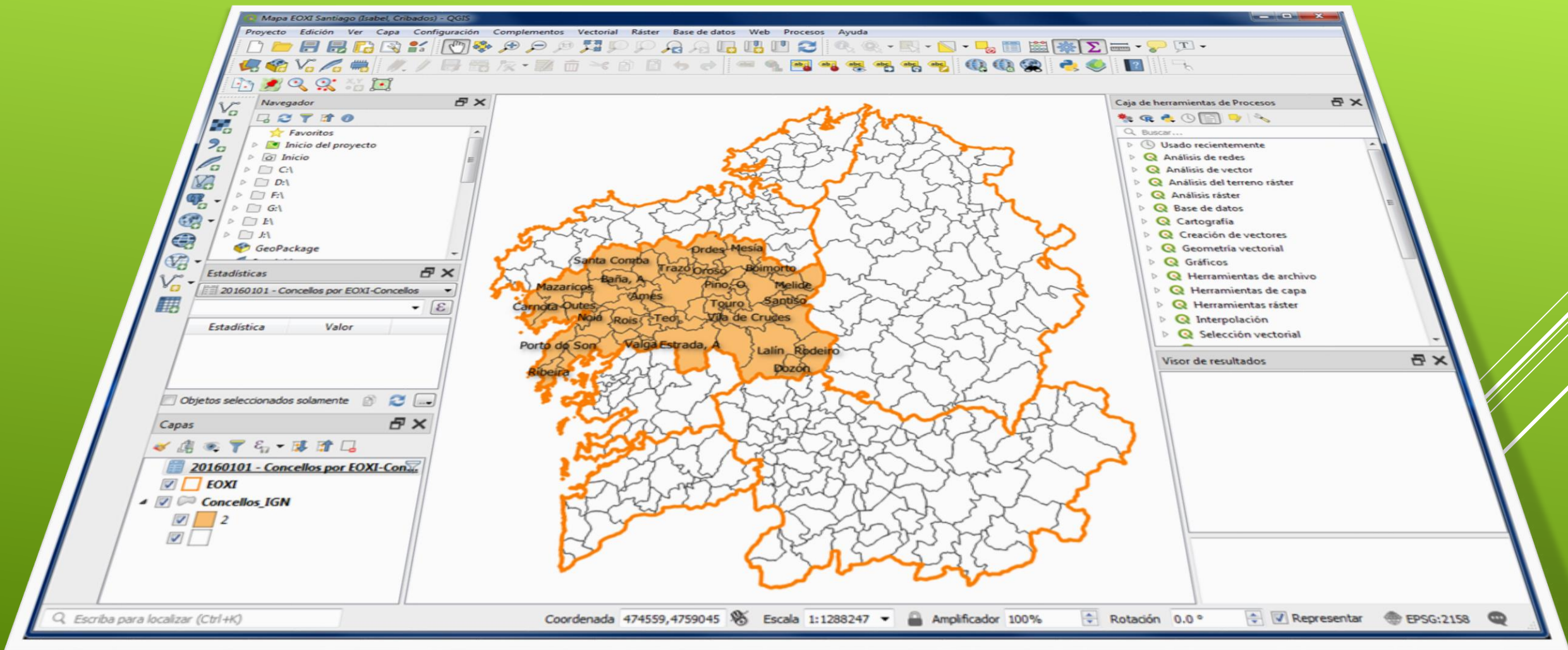
void notepad4ever ()
{
    while (true)
    {
        Notepad++;
    }
}
```

You're encouraged to [translate Notepad++](#) into your native language if there's not already a translation present in the [Binary Translations page](#).

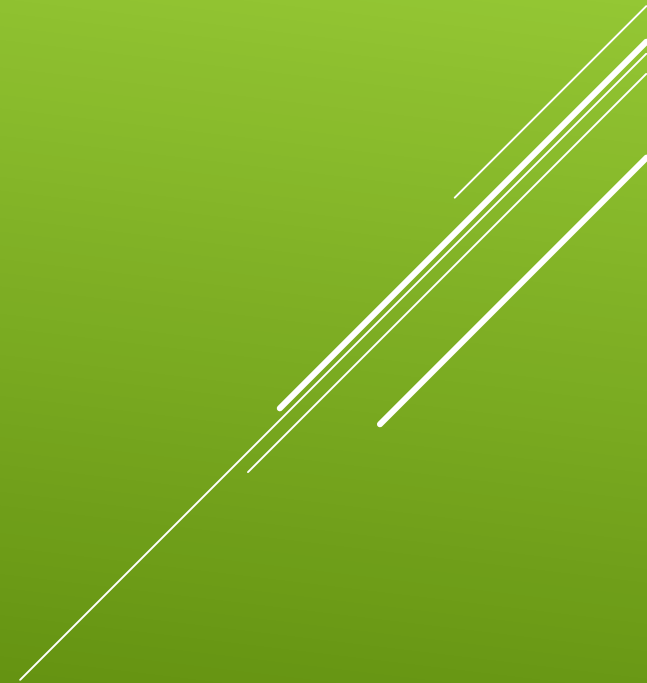
I hope you enjoy Notepad++ as much as I enjoy coding it.

GIS...





BIOESTADÍSTICA...



Descriptives |
 T-Tests |
 ANOVA |
 Regression |
 Frequencies |
 Factor

- hire
- age
- gender
- time
- wordcount
- negR
- intellect
- impression
- speaker
- pnun
- meanhire
- meanintellect
- meanimpression
- centhire
- centintellect
- centimpression

Variables OK

- Impression_Rating
- Intellect_Rating
- Hire_Rating

Split

CONDITION


Display frequency tables (nominal and ordinal variables)

Plots

Display distribution plots
 Display correlation plot
 Display boxplots

Label Outliers
 Color
 Boxplot Element
 Violin Element
 Jitter Element

<https://jasp-stats.org>



Statistics

Descriptives ▾

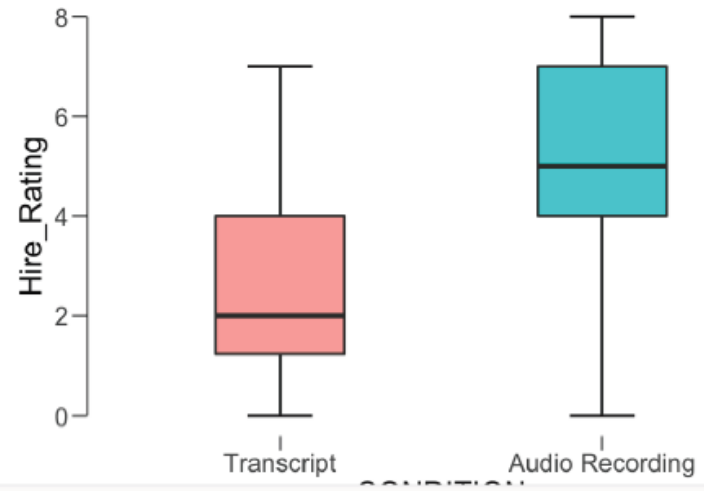
Descriptive Statistics

| | Impression_Rating | | Intellect_Rating | | Hire_Rating | |
|----------------|-------------------|-----------------|------------------|-----------------|-------------|---------|
| | Transcript | Audio Recording | Transcript | Audio Recording | Transcript | Audio f |
| Valid | 18 | 21 | 18 | 21 | 18 | |
| Missing | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| Mean | 4.074 | 5.968 | 3.648 | 5.635 | 2.889 | |
| Std. Deviation | 2.233 | 1.917 | 1.911 | 1.609 | 2.055 | |
| Minimum | 0.3333 | 2.333 | 0.6667 | 2.333 | 0.000 | |
| Maximum | 7.333 | 8.667 | 7.000 | 9.000 | 7.000 | |

Plots ▾

Boxplots ▾

Hire_Rating



Output – PSPPIRE Output Viewer

File Edit Windows Help

GET

SORT CASES

SPLIT FILE

SORT CASES

SPLIT FILE

▷ DESCRIPTIVES

▷ EXAMINE

▷ DESCRIPTIVES



DESCRIPTIVES
DESCRIPTIVES
/VARIABLES= lowup ethnicit quiz1 final.

Variable V Label
year 1 FIRST-YEAR

Valid cases = 3; cases with missing values

| Variable | N | Mean | Std. Deviation |
|-------------------------|---|-------|----------------|
| LOWER OR UPPER DIVISION | 3 | 1.00 | |
| ethnicit | 3 | 4.00 | |
| quiz1 | 3 | 5.00 | |
| final | 3 | 59.33 | |

Variable V Label
year 2 SOPHOMORE

Valid cases = 19; cases with missing values

| Variable | N | Mean | Std. Deviation |
|-------------------------|----|-------|----------------|
| LOWER OR UPPER DIVISION | 19 | 1.00 | |
| ethnicit | 19 | 2.84 | |
| quiz1 | 19 | 7.53 | |
| final | 19 | 62.42 | |

| | |
|----------------|-------|
| Std. Deviation | 1.83 |
| Minimum | 3.00 |
| Maximum | 10.00 |
| Range | 7.00 |

*students.sav [DataSet1] – PSPPIRE Data Editor

File Edit View Data Transform Analyze Utilities Windows Help



| Case | id | lastname | firstnam |
|------|--------|------------|----------|
| 1 | 908754 | MARQUEZ | CHYRELLE |
| 2 | 192627 | MISCHKE | ELAINE |
| 3 | 822485 | VALENZUELA | KATHRYN |
| 4 | 106484 | VILLARRUZ | ALFRED |
| 5 | 725987 | BATILLER | FRED |
| 6 | 354601 | CARPIO | MARY |
| 7 | 307894 | TORRENCE | GWEN |
| 8 | 762813 | DAEL | IVAN |
| 9 | 958384 | RONCO | SHERRY |
| 10 | 985700 | CHA | LILY |
| 11 | 807963 | LEWIS | CARL |
| 12 | 378446 | SAUNDERS | TAMARA |
| 13 | 905109 | JENKINS | ERIC |
| 14 | 920656 | LIAO | MICHELLE |
| 15 | 911355 | LESKO | LETICIA |
| 16 | 154441 | LIAN | JENNY |
| 17 | 273611 | WU | VIDYUTH |
| 18 | 574170 | HURRIA | WAYNE |
| 19 | 515586 | FIALLOS | LAUREL |
| 20 | 762308 | GOUW | BONNIE |
| 21 | 700978 | WEBSTER | DEANNA |

Descriptives

Variables:

- id
- gender
- ethnicit
- YEAR IN SCHOOL
- LOWER OR UPPER DIVISION
- section
- High School GPA
- College GPA
- DID EXTRA CREDIT PROJECT?
- ATTENDED REVIEW SESSIONS?
- quiz3
- quiz4
- quiz5
- final
- total

Statistics:

- Mean
- Standard deviation
- Minimum
- Maximum
- Range
- Sum
- Standard error
- Variance
- Kurtosis

Options:

- Exclude entire case if any selected variable is missing
- Include user-missing data in analysis
- Save Z-scores of selected variables as new variables

Data View Variable View

Filter off Weights off Split by year



Statistics Open For All

SOFA - Statistics Open For All
the user-friendly, open-source statistics,
analysis & reporting package.



[Get help from community](#)

Currently using "default" project settings

Get Started

Enter/Edit Data

Import Data

Report Tables

Charts

Statistics

Welcome to SOFA Statistics. Hovering the mouse over the buttons lets you see what you can do.



Online Help

Select Project

Preferences

Exit

Octave (Debugging)

File Edit Debug Window Help News

Current Directory: /app/share/octave/4.4.0/m/plot/draw

File Browser

p/share/octave/4.4.0/m/plot/draw

- rose.m
- scatter.m
- scatter3.m
- semilogx.m
- semilogxerr.m
- semilogy.m
- semilogyerr.m
- shrinkfaces.m
- slice.m
- smooth3.m
- sombrero.m**
- sphere.m
- stairs.m

Command History

Filter

clc

sombrero

Editor

sombrero.m

```
50 ## Author: jwe
51
52 function [x, y, z] = sombrero (n = 41)
53
54 if (nargin > 2)
55     print_usage ();
56 elseif (n <= 1)
57     error ("sombrero: number of grid points must be at least 2");
58 endif
59
60 [xx, yy] = meshgrid (linspace (-8, 8, n));
61 r = sqrt (xx.^2 + yy.^2) + eps;
62 zz = sin (r) ./ r;
63
64 if (nargout == 0)
65     surf (xx, yy, zz);
66 elseif (nargout == 1)
67     x = zz;
68 else
69     x = xx;
70     y = yy;
71     z = zz;
72 endif
```

line: 62 col: 1 encoding: UTF-8 eol: LF

Editor Documentation

Command Window

```
>> sombrero
stopped in /app/share/octave/4.3.0+/m/plot/draw
62: zz = sin (r) ./ r;
debug> |
```

Workspace

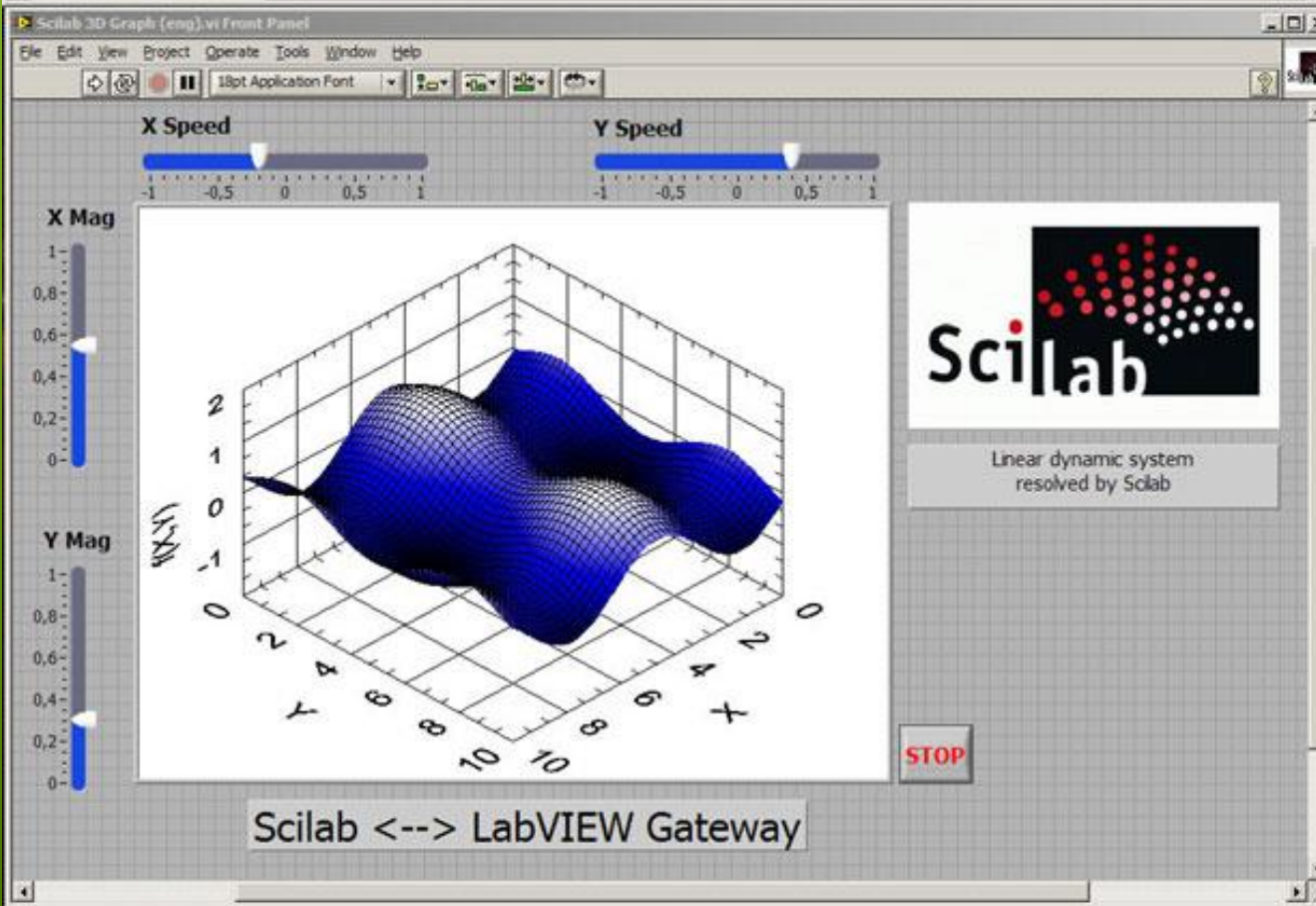
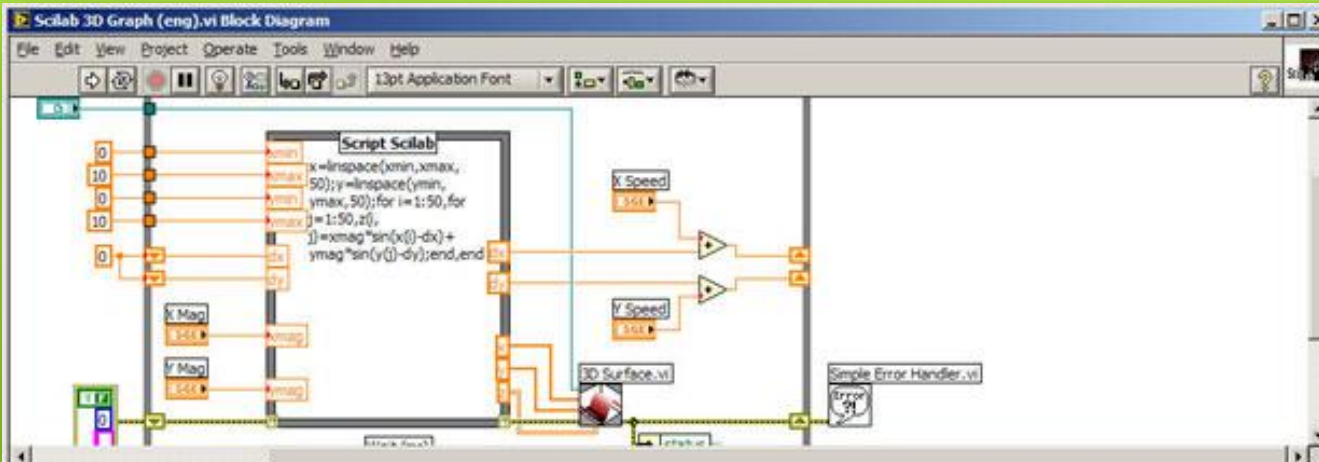
| Name | Class | Dimension | Value |
|------|--------|-----------|---------------------|
| n | double | 1x1 | 41 |
| r | double | 41x41 | [11.314 11.314 ...] |
| xx | double | 41x41 | [-8, -7.6 ...] |
| yy | double | 41x41 | [-8, -8, ...] |

Variable Editor

xx

| | 1 | 2 | 3 |
|----|----|------|------|
| 1 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 2 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 3 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 4 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 5 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 6 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 7 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 8 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 9 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 10 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 11 | -8 | -7.6 | -7.2 |
| 12 | -8 | -7.6 | -7.2 |

Figure 1



Scilab <--> LabVIEW Gateway

scilab-4.0 (0)

File Edit Preferences Control Editor Applications

scilab-
Copyright (c)
Consortium Scilab

Startup execution:
loading initial environment
-->exec('SCI/demos/alldems.dem')

tkChoose

Click to choose a demo
(see also in SCIDIR/demos/...)

- Introduction to SCILAB
- Graphics
- Simulation
- Control
- Signal Processing
- Optimization
- Graph & Networks
- Scicos
- Random
- TK/TCL demos
- Communications with PVM

Cancel

Functions

Search View

- Programming
- Measurement I/O
- Instrument I/O
- Vision and Motion
- Mathematics
- Signal Processing
- Data Communication
- Connectivity
- Control Design & Simulation
- SignalExpress
- Express
 - Input
 - Signal Analysis
 - Output
 - Signal Manipu...
 - Exec Control
 - Arith & Compar
- Addons
- Favorites
- User Libraries
- Select a VI...

Modelo 1: MCO, usando las observaciones 1960-1995 (T = 36)

Variable dependiente: G

| | Coefficiente | Desv. Típica | Estadístico t | valor p | |
|-------|--------------|--------------|---------------|-----------|-----|
| const | 19.5796 | 39.3772 | 0.4972 | 0.6224 | |
| Pg | -12.2872 | 2.05681 | -5.974 | 1.17e-06 | *** |
| Y | 0.0472137 | 0.00417646 | 11.30 | 1.04e-012 | *** |
| Pop | -0.905340 | 0.351378 | -2.577 | 0.0148 | ** |

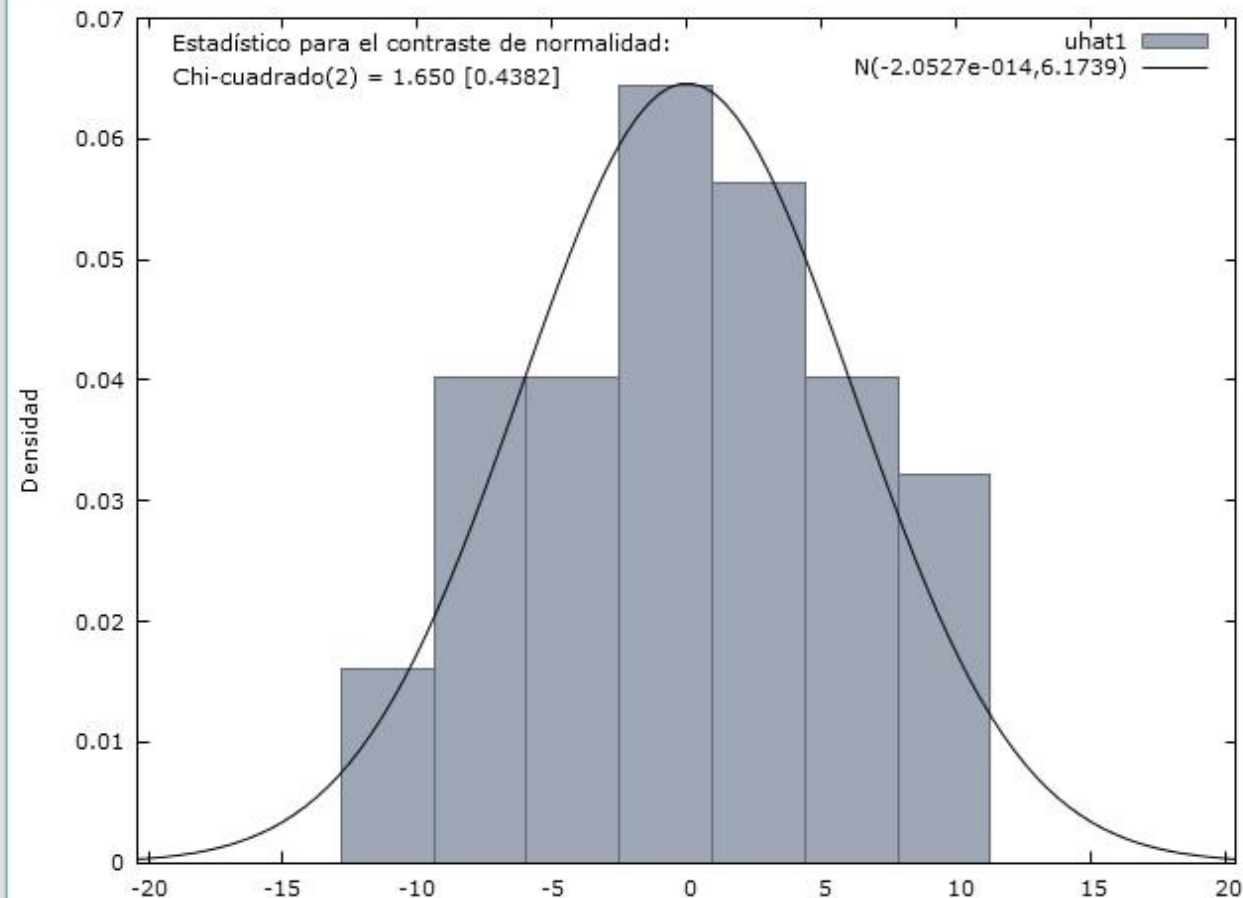
| | | | |
|------------------------|-----------|-----------------------|----------|
| Media de la vble. dep. | 226.0944 | D.T. de la vble. dep. | 50.59182 |
| Suma de cuad. residuos | 1219.754 | D.T. de la regresión | 6.173922 |
| R-cuadrado | 0.986384 | R-cuadrado corregido | 0.985108 |
| F(3, 32) | 772.7362 | Valor p (de F) | 6.40e-30 |
| Log-verosimilitud | -114.4937 | Criterio de Akaike | 236.9874 |
| Criterio de Schwarz | 243.3215 | Crit. de Hannan-Quinn | 239.1982 |
| rho | 0.604865 | Durbin-Watson | 0.790287 |

Contraste de normalidad de los residuos -

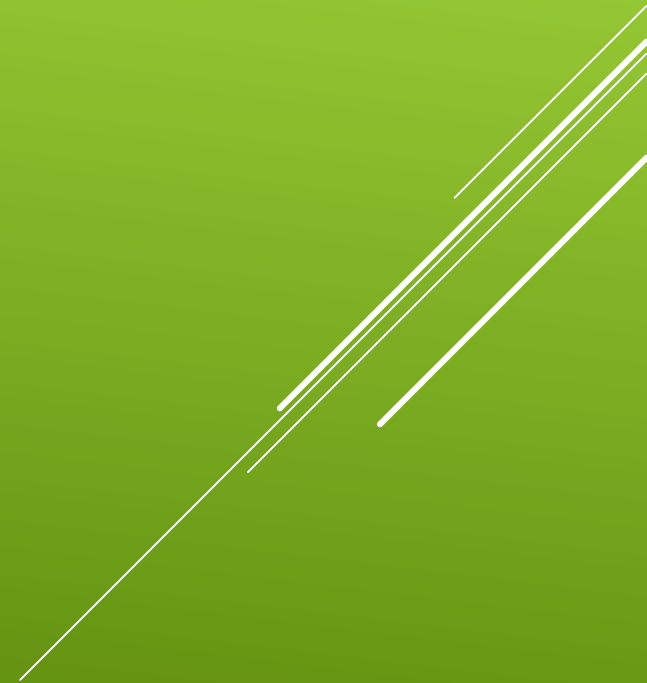
Hipótesis nula: el error se distribuye normalmente

Estadístico de contraste: Chi-cuadrado(2) = 1.65025

con valor p = 0.438179



EPIDEMIOLOGÍA...





Epídat: programa para análisis epidemiológico de datos
Versión 4.1



Análisis epidemiológico de datos tabulados EPIDAT

Proyectos Edición Módulos Herramientas Ventana Ayuda



Índice de cálculos

- [1] Tamaños de mue
- [2] Cálculo de probal

- Ajuste de tasas
- Concordancia y consistencia
- Muestreo
- Análisis descriptivo
- Distribuciones de probabilidad
- Estimación de la mortalidad atribuida
- Demografía

12 NCS

Tamaño de la población: 1.500.000
 Proporción esperada: 35,000%
 Nivel de confianza: 95,0%
 Efecto de diseño: 1,0

Resultados:

| Precisión (%) | Tamaño de la muestra |
|---------------|----------------------|
| 2,000 | 2.182 |
| 3,000 | 971 |
| 4,000 | 547 |

[2] Cálculo de probabilidades. Distribuciones discretas:

Datos:

Distribución binomial (n, p)

Parámetros:

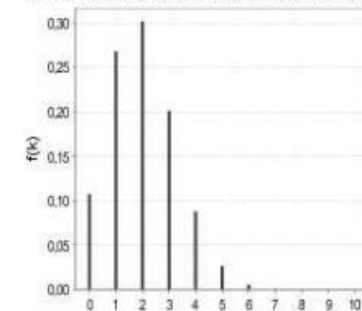
n: Número de pruebas 10
 p: Probabilidad de éxito 0,2

Resultados:

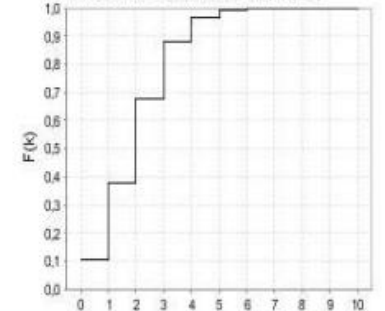
| Media | Varianza | Asimetría | Curtosis |
|-------|----------|-----------|----------|
| 2 | 1,6 | 0,4743 | 0,025 |

Gráficos:

Función de masa de probabilidad Bin(10, 0'2)



Función de distribución Bin(10, 0'2)



Módulos en uso

- Cálculo de probabilidades. Distribuciones d
- Tamaños de muestra/precisión. Estimación

ei



CREATE FORMS

Create surveys or questionnaires with field validation and skip logic.



ENTER DATA

Enter data, browse records, and search the database.



CREATE MAPS

Map data with coordinates, by choropleth, or dot density.



STATCALC

Statistical calculators for sample size, power, and more.

ANALYZE DATA



CLASSIC

Clean, transform, and analyze data with commands.



VISUAL DASHBOARD

Visualize analytical results with gadgets, charts, and tables.

[Expandir menú](#) | [Comprimirlos](#)

- Inicio
- Información y ayuda
 - Idioma/Opciones/Configuraciones
 - Calculadora
- Datos agrupados
 - Razón de Mort.Estándar.
 - Proporción
 - Tabla 2 x 2
 - Dosis-Respuesta
 - Tabla F por C
 - Casos/Controles pareados
 - Evaluación prueba diagnóstica
- Personas-Tiempo
 - 1 tasa
 - Comparar 2 tasas
- Variables continuas
 - IC Media
 - IC Mediana/%il
 - Test t
 - ANOVA
- Tamaño de la muestra
- Potencia
 - Números aleatorios
- Búsquedas
 - Google--Internet
 - PubMed--MEDLARS
- Internet Links
- Descargar OpenEpi
- Desarrollo



Estadísticas epidemiológicas de código abierto para Salud Pública

Ahora en Inglés, Francés, Español, Italiano y Portuguese

Versión 3.01 Actualizado 2013/04/06 *Pruébalo en el navegador de un teléfono*



OpenEpi produce estadísticas para casos y medidas en estudios descriptivos y analíticos, análisis estratificado con límites de confianza exactos, análisis de datos apareados y de personas-tiempo, tamaño de la muestra y cálculos de potencia, números aleatorios, sensibilidad, especificidad y otras estadísticas de evaluación, tablas F x C, chi-cuadrados para dosis-respuesta, y enlaces a otros sitios de interés.

OpenEpi es un software gratuito y de **código abierto** para estadísticas sobre epidemiología. Puede ejecutarse desde un servidor web o descargarse y luego ejecutarse sin una conexión web. No se requiere de un servidor. Los programas están escritos en JavaScript y HTML, y deben ser compatibles con versiones recientes de navegadores para Linux, Mac, navegadores de PC -independientemente del sistema operativo. (Si está viendo esto, quiere decir que la configuración de su navegador permite JavaScript.). Los programas se pueden ejecutar de navegadores de muchos teléfonos móviles iPhone y Android

Se ofrecen los resultados de los tests para cada módulo, para que pueda juzgar la fiabilidad, aunque siempre es una buena idea revisar los resultados importantes con software de más de una fuente. Se proveen enlaces de cientos de calculadoras de Internet.

Los programas tienen una licencia de código abierto que pueden descargarse, distribuirse o traducirse. Algunos de los componentes de otras fuentes tienen declaraciones de licencia en

los archivos del código fuente. Las licencias están disponibles en texto completo en OpenSource.org/licenses. El desarrollo de OpenEpi ha sido financiado parcialmente por una beca de Bill and Melinda Gates Foundation a la Rollins School of Public Health de la Universidad de Emory

Se incluye unas herramientas para crear módulos nuevos y para la traducción. Por favor, háganos saber si quiere colaborar en esto. Las sugerencias y comentarios para contribuir con este proyecto deberán enviarse por correo electrónico a: andy.dean@gmail.com, cckms@sph.emory.edu, y msoe@cdc.gov

Cita sugerida: Dean AG, Sullivan KM, Soe MM. OpenEpi: Open Source Epidemiologic Statistics for Public Health, Versión. www.OpenEpi.com, actualizado 2013/04/06, accedido 2019/04/24.

```

Error: object "Royce" not found
> source("C:/garyking/king_england_royce.R")
Read 36 items
Read 36 items
> model
$par
[1] 1.14217375 -0.04587087 -1.60468315

$value
[1] 6118.279

$count
function gradient
      264      NA

$convergence
[1] 0

$message
NULL

$hessian
      [,1]
[1,] 254.92549 -45.
[2,] -45.61907 1866.
[3,] -171.28432 -112.
    
```

WinBUGS14

File Tools Edit Attributes Info Model Inference Options Doodle Map Text Window Help

WinBUGS14

Node statistics

| node | mean | sd | MC error | 2.5% | median | 97.5% | start | sample |
|------|-------|---------|----------|--------|--------|-------|-------|--------|
| rho | 1.128 | 0.08734 | 0.001308 | 0.9563 | 1.127 | 1.3 | 4001 | 35000 |

Node statistics

| node | mean | sd | MC error | 2.5% | median | 97.5% | start | sample |
|---------|----------|---------|----------|----------|---------|-----------|-------|--------|
| bias[2] | -0.04609 | 0.02429 | 4.605E-4 | -0.09492 | -0.0457 | -0.001056 | 22001 | 17000 |
| bias[3] | -1.617 | 0.09182 | 0.002457 | -1.803 | -1.615 | -1.443 | 22001 | 17000 |

Specification Tool

check model load data

compile num of chains 1

load inits for chain 1

gen inits

Sample Monitor Tool

node bias chains 1 to 1 percentiles

beg 1 end 1000000 thin 1

clear set trace history density

stats coda quantiles bgr diag auto cor

2.5
5
10
25
median
75
90
95
97.5

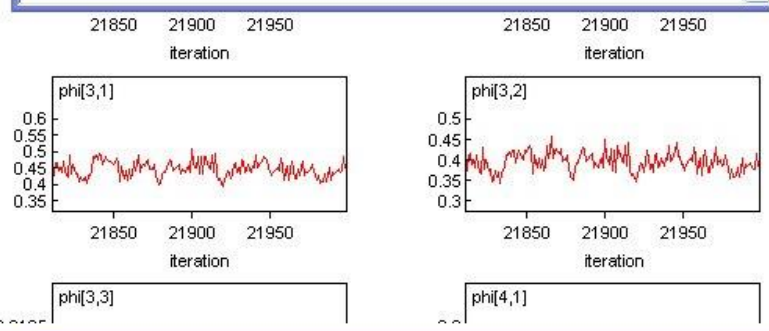
Primary Monitor Tool

refresh 100

iteration 39000

adapting

stats mean clear



DÓNDE CONSIGO BIOSTATFLOSS ?

The screenshot shows the website for BioStatFLOSS, hosted on the Xunta de Galicia website. The page features a dark blue header with navigation links and logos for the Galician Health Service, the European Union, and the Galician Government. The main content area includes a description of the software, a central logo, and a 'DESCARGA' (Download) section with links to various sources like CIXUG (ftp/http), DropBox, and MEGA. There are also sections for 'REFERENCIAS' (References) and 'PREGUNTAS FRECUENTES' (F.A.Q.).

SERVIZO GALEGO de SAÚDE

FONDO EUROPEO DE DESENVOLVEMENTO REGIONAL
"Unha maneira de facer Europa"

XUNTA DE GALICIA
CONSELLERÍA DE SANIDADE

CONSELLERÍA E SERGAS TEMAS COLECTIVOS INTERÉSAME E-SERVIZOS

Fai a túa busca...

BIOSTATFLOSS

Recompilación de software portable para Windows, de libre distribución, especialmente indicado para a realización de estudos bioestatísticos, epidemiolóxicos e de saúde en xeral



DESCARGA

- Oficina de Software Libre do CIXUG (ftp)
- Oficina de Software Libre do CIXUG (http)
- DropBox
- MEGA

REFERENCIAS

- Entrevista ao equipo responsable do proxecto BioStatFLOSS
- CIXUG - Oficina de Software Libre
- Datanalytics
- GuíaSalud
- Universidade da Coruña

PREGUNTAS FRECUENTES

F.A.Q.

Voidades:
Nova versión 4.0 xa dispoñible para a súa descarga.

Que é BioStatFLOSS

BioStatFLOSS consiste nun ámbito unificado e homoxéneo de execución, baixo o sistema operativo Microsoft Windows, dunha recompilación de programas, xa existentes e sobradamente contrastados, especificamente deseñados para a realización de estudos epidemiolóxicos, bioestatísticos e de saúde en xeral. O proxecto consiste nunha revisión e preparación do software relevante seleccionado e o desenvolvemento dun ámbito de execución común dende o que poder lanzar devanditos programas. O

<https://www.sergas.es/Saude-publica/BioStatFLOSS>



GRACIAS POR VUESTRA ATENCIÓN!!!

soporte.epilinux@sergas.es